A ESPECTROMETRIA DE MASSA NA *WORLD WIDE WEB*

COMPILADO POR MARTA SOUSA SILVA E CARLOS CORDEIRO*

A espectrometria de massa tem uma projeção global expressa através de diversas organizações e sociedades científicas internacionais, algumas das quais com várias décadas de existência. Através dos portais destas organizações, é possível obter informações sobre conferências, bolsas, empregos, cursos e contactos de laboratórios de grande prestígio. Fazem parte desta lista as sociedades mais ativas. Incluem-se também algumas organizações internacionais no âmbito da proteómica, na medida em que envolvem também a espectrometria de massa. Finalmente, alguns portais disponibilizam ferramentas informáticas para análise e interpretação de dados, essenciais em espectrometria de massa e proteómica.

SOCIEDADES, ORGANIZAÇÕES E GRUPOS DE INTERESSE

Rede Nacional de Espectrometria de Massa (RNEM)
O portal da rede portuguesa de espectrometria de massa, criada em 2008
<http://rmem.fc.ul.pt/>

Grupo de Espectrometria de Massa da Sociedade Portuguesa de Química
O portal de espectrometria de massa na SPQ
<http://ptms.fc.ul.pt/>

American Society for Mass Spectrometry (ASMS)
<http://www.asms.org/>

British Mass Spectrometry Society (BMSS)
<http://www.bmss.org.uk/>

International Mass Spectrometry Foundation
<http://www.imss.nl/>

Dutch Society for Mass Spectrometry
<https://sites.google.com/site/denvms2/>

Swiss Group for Mass Spectrometry (SGMS)
<http://www.sgms.ch/>

European Proteomics Association (EuPA)
<http://www.eupa.org/>

Human Proteome Organisation (HUPO)
<http://www.hupo.org/>

British Society for Proteome Research
<http://www.bspr.org/>

Proteomics Interest Group
<http://proteome.nih.gov/>

SharedProteomics
Um fórum on-line de recursos, com

protocolos, tutoriais e membros muito experientes
<http://www.sharedproteomics.com/>

Association of Biomolecular Resource Facilities (ABRF)
<http://www.abrf.org/>

BASES DE DADOS E FERRAMENTAS ON-LINE

NIST Chemistry Webbook
<http://webbook.nist.gov/chemistry/>

Ion Source
<http://www.ionsource.com/>

mMass
<http://www.mmass.org/>

Sheffield ChemPuter
<http://winter.group.shef.ac.uk/chemputer/>

ChemBioFinder
<http://www.chemfinder.com/chembiofinder/default.aspx>

Atomic Weights and Isotopic Compositions
<http://www.nist.gov/pml/data/comp.cfm>

ChemCalc
<http://www.chemcalc.org/>

PubChem
<http://pubchem.ncbi.nlm.nih.gov/>

Mass Spec Tools
<http://www.sisweb.com/mstools.htm>

Mascot
A referência em identificação de proteínas
<http://www.matrixscience.com/>

Proteome Cluster
<http://www.proteomecluster.com/>

ExPASy – Bioinformatics Resource Portal

O portal mais importante em bioinformática
<http://www.expasy.ch/>

Protein Prospector
<http://prospector.ucsf.edu/prospector/mshome.htm>

The Global Proteome Machine
<http://www.thegpm.org/>

PepNovo
<http://proteomics.ucsd.edu/LiveSearch/>

Proteomic Tools from the Institute for Systems Biology
<http://db.systemsbiology.net:8080/proteomicsToolkit/index.html>

Unimod – Protein Modifications for Mass Spectrometry
<http://www.unimod.org/>

Delta Mass
Base de dados de modificações pós-traducionais
<http://www.abrf.org/index.cfm/dm.home>

MaxQuant
Software de análise quantitativa de dados de LC-MS/MS e identificação de proteínas usando o motor de busca Andrómeda. Apenas para dados de alta resolução (Orbitrap e FTICR)
<http://maxquant.org/>

ProSight PTM
A principal ferramenta de análise top-down de proteínas. Disponibiliza ainda um útil calculador de fragmentos b, y, c e z, essencial na análise de sequências de péptidos e proteínas por MS/MS
<https://prosigthptm.northwestern.edu/>

Metabolomics
<http://www.metabolomics.net/>

* E-mail: cacordeiro@fc.ul.pt